

ЭНТЕРОФЛОР® ДЕТИ
Результат исследования

ФИО: Демина Анна Сергеевна

ПОЛ: женский

ДАТА РОЖДЕНИЯ: 25.04.2019

ДАТА ВЗЯТИЯ БИОМАТЕРИАЛА: 23.08.2024

ИДЕНТИФИКАТОР КОНТЕЙНЕРА: 3511

ВРАЧ:

СОСТОЯНИЕ МИКРОБИОТЫ КИШЕЧНИКА

Доля нормальной микробиоты в пределах нормы – **88.8%**.
Общее количество бифидобактерий снижено – **5.6 Lg (ГЭ/г)***.
Таксономическое разнообразие нормальной микробиоты в пределах нормы - **14**. Доля метаболически активных видов бифидобактерий в пределах нормы – **более 10%**.
Представители *Lactobacillaceae* отсутствуют. Представители таксона *Bacteroidetes* присутствуют. Доля условно-патогенной микробиоты в пределах нормы – **11.2%**. Порядок *Enterobacterales* представлен *E.coli*. Дрожжевые грибы не выявлены.

ВАЖНО: интерпретация результатов должна производиться строго лечащим врачом

ПОКАЗАТЕЛЬ	РЕЗУЛЬТАТ	РЕФЕРЕНТНЫЙ ИНТЕРВАЛ	ЕДИНИЦА ИЗМЕРЕНИЯ
Общее количество бактерий (ОБМ)	7.9*	> 6	Lg (ГЭ/г)
Нормальная микробиота			
доля	88.8	≥ 80	%
разнообразие, количество таксонов	14	≥ 10	шт
<i>Bifidobacterium spp.</i>			
общее количество	5.6*	> 6	Lg (ГЭ/г)
метаболически активные виды, доля	> 10	≥ 10	%
метаболически активные «детские» виды, доля**	Не оценивается в данном возрасте		
метаболически активные «детские» виды, разнообразие	Не оценивается в данном возрасте		
<i>Lactobacillaceae</i> , количество	-	> 0.0	Lg (ГЭ/г)
<i>Bacteroidetes</i> , наличие	выявлено	выявлено	
<i>Firmicutes/Bacteroidetes</i> , соотношение	1.9	≥ 1.5	
Дрожжевые грибы, количество	0.0*	< 6.5	Lg (ГЭ/г)
Условно-патогенная микробиота (патобионты), доля	11.2	< 20	%
Маркеры патогенности и резистентности, наличие			
патогенные представители <i>Enterobacterales</i>	не выявлено	не выявлено	
<i>Clostridioides difficile</i>	не выявлено	не выявлено	
<i>tcdA, tcdB</i>	не выявлено	не выявлено	
<i>Staphylococcus aureus</i>	не выявлено	не выявлено	
<i>mecA</i>	не выявлено	не выявлено	
<i>Streptococcus agalactiae c srr2</i>	Не оценивается в данном возрасте		
<i>Candida albicans</i>	не выявлено	не выявлено	

Дата выполнения исследования: 26.08.2024

Исследование выполнил _____ (ФИО)

* приведены значения Lg X – означает 10^x
** указано значение доли от суммы метаболически активных бифидобактерий



ФИО:

Демина А. С.

ИДЕНТИФИКАТОР КОНТЕЙНЕРА:

3511

ДАТА ВЗЯТИЯ БИОМАТЕРИАЛА:

23.08.2024

ПОКАЗАТЕЛЬ	РЕЗУЛЬТАТ АБСОЛЮТНЫЙ, Lg (ГЭ/г кала)*		РЕЗУЛЬТАТ ОТНОСИТЕЛЬНЫЙ, %	
	Значение*	Референтный интервал	Значение	Референтный интервал
Общее количество бактерий	7.9	> 6		
НОРМАЛЬНАЯ МИКРОБИОТА	8.2	8 - 10.2	88.8	80 - 100
Actinobacteria				
Bifidobacterium spp	5.6	4.0 - 9.0	0.2	2.7 - 34.1
Метаболически активные виды бифидобактерий, доля			> 10	≥ 10
Метаболически активные «детские» виды**	-	4.4 - 6.5	-	> 0
Bifidobacterium longum subsp. infantis	-		-	
Bifidobacterium longum subsp. longum	-		-	
Bifidobacterium bifidum	-		-	
Bifidobacterium breve	-		-	
Метаболически активные «взрослые» виды**	5.0	6.7 - 7.6	100.0	53 - 98
Bifidobacterium adolescentis	5.0		100.0	
Bifidobacterium catenulatum ssp	-		-	
Bifidobacterium animalis subsp. lactis	-		-	
Bifidobacterium dentium	-		-	
Coriobacteriia	5.9	6.5 - 8.8	0.4	0.0 - 12.0
Firmicutes				
Clostridium leptum gr	7.9	6.5 - 10.0	42.7	24.3 - 76.0
Dialister+Allisonella+Megasphaera+Veillonella	5.7	6.0 - 8.7	0.3	0.0 - 5.0
Faecalibacterium prausnitzii	7.0	0.0 - 8.8	5.4	0.0 - 15.0
Lachnospiraceae	7.3	7.5 - 10.0	10.7	7.8 - 52.7
Lactobacillaceae	-	0.0 - 8.8	-	0.0 - 5.0
Streptococcus spp	4.9	5.5 - 8.6	< 0.1	0.0 - 7.0
Lactococcus lactis	-	0.0 - 8.0	-	0.0 - 2.0
Bacteroidetes				
Alistipes spp	7.2	6.0 - 8.2	8.5	0.0 - 10.0
Bacteroides spp	6.4	7.0 - 8.9	1.3	0.0 - 35.0
Butyrivibrio spp	5.5	5.0 - 7.0	0.2	0.0 - 1.0
Parabacteroides spp	6.1	5.7 - 8.3	0.7	0.0 - 2.0
Prevotella spp	7.5	0.0 - 9.0	17.0	0.0 - 18.1
Другие бактерии				
Akkermansia muciniphila	4.7	0.0 - 8.5	< 0.1	0.0 - 4.0
Desulfovibrio spp	6.4	0.0 - 7.0	1.3	0.0 - 1.0
Methanobrevibacter spp	-	0.0 - 8.0	-	0.0 - 5.0
Разнообразие, количество таксонов:	14	≥ 10		
Соотношение Firmicutes/Bacteroidetes:	1.9	≥ 1.5		
УСЛОВНО-ПАТОГЕННАЯ МИКРОБИОТА (ПАТОБИОНТЫ)	7.3	5.9 - 8.5	11.2	0 - 20
Clostridium difficile gr	5.3	4.7 - 7.0	0.1	0.0 - 1.0
Clostridium perfringens gr	5.6	0.0 - 6.0	0.2	0.0 - 1.0
Enterobacterales	7.3	6.0 - 8.5	10.7	0.0 - 20.0
E.coli	7.6	5.5 - 8.2	21.4	0.0 - 10.0
Enterococcus spp	4.1	0.0 - 7.0	< 0.1	0.0 - 1.0
Erysipelotrichaceae	5.4	5.7 - 7.5	0.1	0.0 - 6.0
Fusobacteriaceae	-	0.0 - 6.5	-	0.0 - 1.0
Peptoniphilaceae	-	0.0 - 6.0	-	0.0 - 1.0
Pseudomonas spp	-	0.0 - 5.5	-	0.0 - 0.1
Staphylococcus spp	-	0.0 - 5.5	-	0.0 - 0.1
МАРКЕРЫ ПАТОГЕННОСТИ И РЕЗИСТЕНТНОСТИ				
Clostridioides difficile	-	0.0	-	0.0
tcdA tcdB	-		-	
Staphylococcus aureus	-	0.0 - 4.5	-	0.0 - 0.1
mecA	-		-	
Streptococcus agalactiae	-	0.0 - 4.4	-	0.0 - 0.1
srr2	-		-	
ДРОЖЖЕВЫЕ ГРИБЫ				
Candida spp	-	0.0 - 6.5	-	
C.albicans	-	0.0	-	

* приведены значения Lg X – означает 10^x

** указано значение: доли от суммы метаболически активных бифидобактерий