

Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени

Андрофлор® Скрин



Дата 23. 0:25
Номер пробирки 2
Ф.И.О. пациента
Пол мужской
Возраст лет
Организация
Врач Ситникова А.А.
Примечание

Идентификатор образца: 2

№	Название исследования	Результат	
		Количественный	Относительный Lg(X/ОБМ)
	Геномная ДНК человека	10 ^{4.9}	☐
1	Общая бактериальная масса	10 ^{3.5}	☐
Транзиторная микрофлора			
2	Lactobacillus spp.	не выявлено	☐
Нормофлора			
3	Staphylococcus spp.	не выявлено	☐
4	Streptococcus spp.	не выявлено	☐
5	Corynebacterium spp.	10 ^{3.4}	☐
	Сумма: Нормофлора	10 ^{3.4}	☐
УПМ, ассоциированные с баквагинозом			
6	Gardnerella vaginalis	не выявлено	☐
7	Ureaplasma urealyticum *	не выявлено	☐
8	Ureaplasma parvum *	не выявлено	☐
9	Mycoplasma hominis *	не выявлено	☐
	Сумма: УПМ, ассоциированные с баквагинозом	не выявлено	☐
УПМ Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.			
10	Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.	не выявлено	☐
Дрожжевые грибы			
11	Candida spp. *	ниже ПЗ ***	☐
Патогены			
12	Mycoplasma genitalium **	не выявлено	☐
13	Trichomonas vaginalis **	не выявлено	☐
14	Neisseria gonorrhoeae **	не выявлено	☐
15	Chlamydia trachomatis **	не выявлено	☐



* Абсолютный анализ Lg(X) ** Качественный анализ *** Ниже порогового значения

Заключение

ДНК патогенных микроорганизмов не выявлена.
Candida spp. ниже порогового значения.
Структура бактериального микробиома соответствует норме.

Исследование выполнил:

Дата:
Подпись: